中科森辉微球技术(苏州)有限公司
苏州工业园区金鸡湖大道 99 号纳米城 NW-02 幢 #713，邮编: 215123
电话: 0512-8686 7755；传真：0512-86867758
www.senhuimicrosphere.com

金属螯合亲和层析介质（Ni-TED QZT 6FF）产品说明书

中科森辉微球技术（苏州）有限公司

中科森辉微球技术(苏州)有限公司
苏州工业园区金鸡湖大道 99 号纳米城 NW-02 幢 #713, 邮编: 215123
电话: 0512-8686 7755；传真：0512-86867758
www.senhuimicrosphere.com

金属螯合介质（Ni-TED QZT 6FF）产品说明书

1. 产品简介

金属螯合亲和层析，又称固定化金属离子亲和层析（Immobilized metal ion affinity chromatography, IMAC）。该法利用蛋白质表面的某些氨基酸（如组氨酸、色氨酸、半胱氨酸等）和金属离子（Cu^{2+}、Zn^{2+}、Ni^{2+}等过渡金属离子）发生特殊的相互作用的原理，从而实现蛋白质的分离。琼脂糖金属螯合介质（Ni-TED QZT 6FF）是将三（羧甲基）乙二胺（TED）键合在高流速、高强度的琼脂糖微球上，并螯合金属离子 Ni^{2+}而形成的一种亲和层析介质。影响蛋白质/多肽与金属离子螯合力大小的因素主要是蛋白质表面可结合的氨基酸（种类、数目和分布）、金属离子的种类和密度、层析条件（pH、盐的种类和浓度、添加剂等）。IMAC 具有吸附容量大、选择性好、分辨率高、易于再生、成本较低等优点，广泛用于生物制药和生物工程下游蛋白质、核酸及多肽的分离纯化，尤其是组氨酸标记蛋白质的分离纯化。

2. 产品特性

Ni-TED QZT 6FF 亲和介质具有良好的稳定性、生物相容性和溶剂相容性，这不仅有利于保持产品的生物活性和提高产品的收率，还有利于扩大层析操作条件的选择范围。Ni-TED QZT 6FF 亲和介质的理化性质和溶剂相容性分别如表 1 和表 2 所示。

表 1 Ni-TED QZT 6FF 的理化性质及特征参数

参数	指标
基质	6%交联琼脂糖凝胶
配基	-N(CH_2COOH)CH_2CH_2N（CH_2COOH）（TED）
形状	球形
平均粒径	90 μm (45-165μm)
金属离子密度	80-110μmol Ni^{2+}/ml wet gel
EDTA 耐受性	10mM EDTA，＞4h
推荐流速	150 cm/h
最高流速*	1500 cm/h
最高耐压*	0.18MPa (1.8bar)
储存条件	20%乙醇，4-30 ºC

*：层析柱 20 cm × 1.0 cm I.D，填料高度 10cm，常温，溶液为 H_2O 的条件下测定，耐压为扣除系统压力后的净压力。

3. 应用

Ni-TED QZT 6FF 广泛用于蛋白质、核酸及多肽，尤其是组氨酸标记蛋白质的分离纯化。金属螯合层析可采用重力柱、蠕动泵和层析系统等模式进行操作。以层析系统操作模式为例，层析操作通常包括装柱、螯合金属离子、平衡、进料、淋洗、洗脱、再生等步骤（具体操作条件以 10.0 * 1.6 cm I.D.，CV=20.0 ml 层析柱为例）。

3.1 装柱

（1）Ni-TED QZT 6FF 介质通常在 4 ℃ 下保存于 20%乙醇中，使用前先取出适量（22 ml 介质）介质放置于烧杯中，用纯水置换掉 20%的乙醇溶液，静置沉降后倒掉部分上清至凝胶浓度约为 60%（匀浆液体积约为 36 ml），搅拌均匀后备用（匀浆液温度尽量接近室温）。

（2）清洗层析柱及配件，排气泡后拧紧层析柱底端的出口，加入适量纯水至 0.2-0.5 cm 液位高度。

（3）用玻璃棒将介质匀浆液轻轻搅拌均匀（避免引入气泡），然后用玻璃棒导流将匀浆液沿着柱内壁一次性倒入柱内，尽量避免产生气泡。介质在层析柱内自由沉降后（30 min），连结好柱子顶端柱头（预先去除管道内及接口处的气泡）。

（4）打开泵，先用纯水以 2.5 ml/min 的流速压柱（10 min 至胶面），然后再以 4ml/min 的流速压柱，使柱床稳定，调节顶端柱头至胶面处。用 2-3 倍柱体积（CV）的缓冲液平衡柱子。

表 2 推荐装柱流速

层析柱	装柱流速（ml/min）		最高使用流速（ml/min）
	第一步	第二步	
20 mm×10 mm I.D.	0.9	4.7	2
20 mm×16mm I.D.	2.5	8.7	5
20 mm×26 mm I.D.	6.6	23	13
20 mm×50 mm I.D.	24.5	85	49

3.2 螯合金属离子

本介质可以根据需要，螯合不同的金属离子，如 Cu^{2+}、Ni^{2+}或 Zn^{2+}等。Cu^{2+}与蛋白质结合最强，Ni^{2+}与蛋白质结合适中，Zn^{2+}与蛋白质结合最弱，可根据实际需要选择。用户可选择购买螯合了相应金属离子的介质（出厂时一般以螯合 Ni^{2+}的形式提供，此时无需螯合金属离子步骤），也可自行螯合。

具体的螯合方法如下：

（1）层析柱（未螯合或再生后）用 5CV 的纯水清洗（5ml/min，下同）；

（2）选择合适的金属离子（Cu^{2+}、Zn^{2+}、Ni^{2+}、Co^{2+}、Fe^{3+}等），溶解在中性或弱酸性溶液中，浓度为 0.2 mol/L，过滤后使用，其中 Fe^{3+}必须在低 pH（3.0）下螯合，以防止 Fe^{3+}产生沉淀；

（3）用 5CV 的金属离子溶液上柱，螯合金属离子；

（4）用 5CV 以上的纯水清洗层析柱，去除游离的金属离子。

此外，也可以直接把清洗干净的介质和所要螯合的金属离子溶液混合后在摇床上振荡过夜，螯合金属离子，然后再装柱。

3.3 平衡

用 5-10CV 的平衡缓冲液平衡层析柱，至流出液电导和 pH 保持不变（与平衡液一致）。

实际操作中，一般选用中性/弱碱性（pH 7-8）的高盐（0.15-1.0 M NaCl 或其它中性盐）缓冲液。其中常用磷酸盐缓冲体系，如 20 mM PB+0.5 M NaCl，pH 7.4。对于结合力较强的带组氨酸标记的蛋白质，平衡缓冲液中可加入低浓度（5-50 mM）的咪唑（具体浓度需要根据实验现象进行优化）。

3.4 进料

样品缓冲液应尽可能与平衡液一致。固体样品可用平衡液溶解配制；低浓度样品溶液可用平衡液透析；高浓度样品溶液可用平衡液稀释。为了避免堵塞层析柱，样品应经离心或微滤处理。

为了减少杂蛋白在层析柱上的吸附，可在确保目标蛋白吸附的情况下适当增加样品缓冲液中的咪唑（具体浓度根据优化结果确定，并与平衡缓冲液的咪唑浓度保持一致）。

3.5 淋洗

上样完毕后继续用平衡缓冲液淋洗至基线。

3.6 洗脱

一般采用竞争试剂咪唑进行洗脱，并在洗脱缓冲液中加入一定浓度（0.15-1.0M）的 NaCl 以抑制离子交换作用。洗脱缓冲液一般为 20 mM PB + 0.5 M NaCl +0.5 M 咪唑，pH 7.4。可采用线性梯度或阶越式梯度洗脱（洗脱时所需的咪唑浓度与所纯化蛋白的结合强度有关，可通过洗脱浓度优化得到）。

对于包涵体蛋白，相应地可在平衡、上样和洗脱的缓冲液中加入 8M Urea 或 6M Gua-HCl。洗脱后再对变性蛋白进行复性。

（备注：洗脱一般有两种方式：一是采用竞争试剂，如咪唑（0-0.5M）、组氨酸（0-0.05M）、氯化铵（0-2M）等将蛋白质从柱子上置换下来；二是减小 pH 值，洗脱目标蛋白，大多数蛋白质在 pH 4~6 的范围内可被洗下来。用竞争试剂咪唑或减小 pH 值的方法洗脱蛋白质，金属离子仍结合在柱子上；若用竞争试剂组氨酸或氯化铵洗脱蛋白质，会将金属离子和蛋白质的复合物一起洗下来）

3.7 原位清洗

为了避免不同样品间的相互干扰，或者当介质污染比较严重时（反压增加），需要对介质进行在位清洗。在位清洗前，需要预先去除介质上螯合的金属离子。在位清洗时，可采用反向冲洗的方法。

（1）对于以离子键结合的蛋白，可用 2-3 CV 以上的 2 M NaCl 清洗，并用 3 CV 以上的纯水冲洗。

（2）对沉淀蛋白、以疏水性结合的蛋白或脂蛋白，可用 1 M NaOH 清洗（1-2 h），并用 5-10 CV 平衡液和 3 CV 以上的纯水冲洗。

（3）对疏水性结合的蛋白、脂蛋白和脂类物质，可用 5-10 CV 的 70%乙醇或 30%异丙醇清洗（15-20 min），并用 5-10 CV 的纯水冲洗。

此外，也可用 2 CV 含去污剂的碱性或酸性溶液清洗。如用 0.1-0.5%的非离子去污剂+0.1 M 乙酸冲洗 1-2 h，并用 5-10 CV 的 70%乙醇冲洗去除去污剂，然后用 5-10 CV 的纯水冲洗。

3.8 其它注意事项

在使用和保存柱子的时候，要避免柱子流干，气泡进入。

4. 特色服务

（1）提供介质筛选及工艺开发的咨询。

（2）接受客户委托开发各种分离介质和分离工艺。

（3）按客户要求提供各种规格的预装柱。

（4）为客户提供专业的售前和售后服务。

有关当地办事处的联系信息，请联系销售公司
销售/服务公司：中科森辉微球技术（苏州）有限公司
售后服务电话：0512-86867755-8003　传真： 0512-86867758
Email：senhui@senhuimicrosphere.com
网址：www.senhuims.com
地址：苏州工业园区金鸡湖大道 99 号纳米城 NW-02 幢 713 室